**LOTTO N°1**

CARATTERISTICHE TECNICHE di minima:

**LOTTO 1:** **SPETTROFOTOMETRO UV-VIS PER LA DETERMINAZIONE DELLA CONCENTRAZIONE E DELLA QUALITÀ DEGLI ACIDI NUCLEICI E DELLE PROTEINE, IN MICRO VOLUMI**:

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Caratteristica richiesta** | **Indicare il possesso della caratteristica richiesta (SI/NO)** | **Descrivere e specificare le caratteristiche richieste per l’apparecchiatura proposta** | **Casella dove la ditta deve inserire il tipo di documento a comprova, la pagina ed il rigo in cui la specifica tecnica possa evincersi, nonché motivare le eventuali equivalenze** |
| 1. Misurazione con quantità minime di campione (0.5-2 microlitri) e possibilità di recupero dello stesso. |  |  |  |
| 1. Nessuna prediluizione del campione |  |  |  |
| 1. Nessuna necessità di supporto quali celle o cuvette. |  |  |  |
| 1. Nessuna necessità di calibrazione. |  |  |  |
| 1. Tempo di lettura <5 sec. |  |  |  |
| 1. Ampio range di concentrazione di lavoro (2-2000 ng/microlitro) ds DNA senza diluizione del campione. |  |  |  |
| 1. Nessuna necessità di collegamento ad un PC. |  |  |  |
| 1. Design piccolo, posizionabile su un qualsiasi bancone. |  |  |  |
| 1. Determinazione della concentrazione e della qualità degli acidi nucleici a (260A,280A, 230A) con metodi già preimpostati. |  |  |  |
| 1. Spettrofotometria standard: analisi di un campione attraverso tutto lo spettro UV-Vis, tra 220 e 750 nm e lunghezza d’onda (BCA 562, Bradford 595 ecc) con quantificazione e visualizzazione dello spettro di assorbimento. |  |  |  |
| 1. Quantificazione dei Dye Cy3 Cy5 per microarray. |  |  |  |
| 1. Metodi predefiniti per la quantificazione delle proteine. |  |  |  |
| 1. Uscita USB per estrarre dati salvati |  |  |  |